

Abstract

Die folgende Arbeit konzentriert sich auf das Thema Stringmatching mit Fokus auf den Bereich Algorithmische Bioinformatik. Hierfür werden einige der wichtigsten Algorithmen vorgestellt, die zum Auffinden eines Pattern innerhalb eines (enorm großen) Template benutzt werden. Dabei wird für jede dieser Methoden aufgezeigt welche Vorbereitungen zu treffen sind, wie der Algorithmus an sich abläuft, welche Tricks er benutzt um hohe Effizienz zu erreichen und mit was für einem zeitlichen Aufwand die Aufgabe erfüllt wird. Außerdem werden auch alle gezeigten Beispiele für exaktes Stringmatching implementiert.